



SEQUENCE LISTING

<110> WANG, QI ET AL.

<120> RECOMBINANT PROTEINS CONTAINING REPEATING UNITS

<130> MONS:016US

<140> 09/804,733

<141> 2001-03-13

<150> 06/188,990

<151> 2000-03-13

<160> 31

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 5

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 1

Leu Lys Pro Asn Met

1

5

<210> 2

<211> 4

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 2

Lys Pro Asn Met

1

<210> 3

<211> 4

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 3

Val Val Tyr Pro

1

```
<210> 4
<211> 15
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(9)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 4
ctnaarccna ayatg 15

<210> 5
<211> 60
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(54)
<223> N = A, C, G, or T/U

<400> 5
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 60

<210> 6
<211> 60
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(52)
```

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 6

catr~~t~~tnggy ttnagcatrt tnggyttnag catr~~t~~tnggy ttnagcatrt tnggyttnag 60

<210> 7

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (12)..(18)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 7

aaagaattcc tnaarccnaa yatgc

25

<210> 8

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (18)..(24)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 8

aaagcggccg ccatr~~t~~tnggg yttnagc

27

<210> 9

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 9

taatacgact cactataggg

20

<210> 10

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 10

cgatcaataa cgagtcgcc

19

<210> 11

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (3)..(48)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 11

gtngtntayc cngtngtnta yccngtngtn tayccngtng tntayccn

48

<210> 12

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

```
<221> modified_base
<222> (1)..(46)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 12
nggrtanacn acnggrtana cnacnggrta nacnacnggr tanacnac 48

<210> 13
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(33)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 13
aaaggatccg tngtnaycc ngtngtntay ccn 33

<210> 14
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(31)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 14
cccaagctt ggrtanacna cnggrtanac nac 33

<210> 15
<211> 45
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(45)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 15
gtncnccng tnccnccngt nccnccngtn ccnccngtnc cnccn

45

<210> 16
<211> 45
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(43)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 16
ngnggnacn gnggnacng gnggnacngg nggnacngn ggnac

45

<210> 17
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(36)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 17
aaaggatccg tnccnccngt nccnccngtn ccnccn

36

<210> 18
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(34)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 18
aataagcttn ggnggnacng gnggnacnngg nggnac

36

<210> 19
<211> 8
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Peptide

<400> 19
Val Pro Pro Leu Lys Pro Asn Met
1 5

<210> 20
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(42)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 20
gtnccnccnc tnaarccnaa yatggtnccn ccnctnaarc cnaayatg 48

<210> 21
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

```
<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(46)
<223> N = A, C, G or T/U
```

<400> 21
catr~~t~~nggy ttnagngng gnaccatrtt nggyttnagn ggn~~g~~nac 48

<210> 22
<211> 58
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

```
<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(52)
<223> N = A, C, G, T/U
```

<400> 22
gcatgaattc gtnccncnc tnaarccnaa yatggtnccn ccnctnaarc cnaayatg 58

<210> 23
<211> 84
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(82)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 23
gcatgcggcc gccatrttng gytnagnncg ngnccraan gnggnagca trtnggytt 60
nagncnggn ccraanggng gnac 84

<210> 24
<211> 4
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Peptide

<400> 24
Phe Gly Pro Arg
1

<210> 25
<211> 72
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(66)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 25
gttccnccnt tyggncncg nctnaarccn aayatggtnc cnccnttygg nccncgnctn 60
aarcgnaaya tg 72

<210> 26
<211> 72
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (7)..(70)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 26

catr~~t~~nggy ttnagncng gnccraangg nggnagcatr ttnggyttna gncnggncc 60
raangggnggn ac 72

<210> 27

<211> 82

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (13)..(76)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 27

gcatgaattc gtnccncnt tyggncncg nctnaarccn aayatggtnc cnccnttygg 60
nccncgnctn aarcgnaaya tg 82

<210> 28

<211> 84

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (19)..(82)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 28
gcatgcggcc gccatrttng gyttnagnncg nggnccraan ggnggnagca trtnggytt 60
nagnccnggn ccraanggng gnac 84

<210> 29
<211> 12
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Peptide

<400> 29
Val Pro Pro Phe Gly Pro Arg Leu Lys Pro Asn Met
1 5 10

<210> 30
<211> 615
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(309)
<223> N = A, C, G OR T/U

<400> 30
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 60
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 120
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 180
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 240
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 300
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 360
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 420
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 480
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 540
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 600
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 615

<210> 31
<211> 397
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(391)
<223> N = A, C, G OR T/U

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 31

ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 60
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 120
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 180
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 240
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 300
ganttyggnt trtacgantt yggnttgant tyggnttrta cganttyggn ttrtacgant 360
tyggnttrta cganttyggn ttganttygg nttrtac 397